

Testi del Syllabus

Resp. Did. **MERONI GERMANA** **Matricola: 022803**

Docente **MERONI GERMANA, 6 CFU**

Anno offerta: **2017/2018**

Insegnamento: **674SM - GENETICA E GENOMICA MOLECOLARE**

Corso di studio: **SM53 - GENOMICA FUNZIONALE**

Anno regolamento: **2017**

CFU: **6**

Settore: **BIO/18**

Tipo Attività: **B - Caratterizzante**

Anno corso: **1**

Periodo: **Primo Semestre**

Sede: **TRIESTE**



Testi in italiano

Lingua insegnamento ITALIANO

Contenuti (Dipl.Sup.) Introduzione al corso e tecniche utilizzate in genetica molecolare. Il progetto Genoma Umano. Next Generation Sequencing: tecnologie e applicazioni. Mappatura, sequenziamento e assemblaggio dei genomi. Interpretazione delle sequenze genomiche. Anatomia dei genomi eucariotici: geni che codificano per proteine e geni a RNA; DNA ripetuto localizzato e intersperso; pseudogeni processati e non processati. Genomica comparata ed evoluzione dei genomi. Filogenetica molecolare. Evoluzione dei cromosomi sessuali ed inattivazione del cromosoma X nei mammiferi. Varianti genomiche: mutazioni e polimorfismi. Cenni di farmacogenomica. Manipolazione genica per lo studio di malattie e processi genetici: transgenesi; modificazione mirata (knockout e knockin); forward genetics (mutagenesi inserzionale e chimica); editing del genoma con nucleasi programmabili (Zinc finger, Talen, CRISPR/Cas9). Cenni di approcci genetici e cellulari alla cura delle malattie.

Testi di riferimento Materiale didattico fornito durante il corso in forma di presentazioni delle lezioni ed articoli originali.
Testo a supporto consigliato: Genetica e Genomica nelle Scienze Mediche - Strachan, Goodship, Chinnery.

Obiettivi formativi Il corso ha l'obiettivo di fornire agli studenti: i) conoscenze relative alla struttura dei genomi e alle metodologie di analisi globale; ii) la conoscenza degli aspetti molecolari che sottendono alla genetica classica e in particolare alla genetica umana; iii) la conoscenza della metodologia per l'editing del patrimonio genetico al fine di comprendere lo sviluppo e le patologie genetiche; iv) la capacità di comprendere e sviluppare metodiche di genomica e genetica molecolare che possano trovare applicazioni nella ricerca biologica e biomedica.

Prerequisiti Conoscenze di Genetica, Biologia Molecolare e Cellulare.

Metodi didattici	Lezioni tradizionali integrate con journal club per la discussione di rilevanti pubblicazioni nel campo.
Altre informazioni	Nessuna
Modalità di verifica dell'apprendimento	Gli studenti dovranno sostenere un esame finale che consiste in: i) una parte scritta con 10 domande a risposta multipla e 2 domande a risposta aperta; ii) una parte orale di circa 20-30 minuti per la discussione del test scritto e di altri argomenti trattati durante il corso.
Programma esteso	Introduzione al corso e tecniche utilizzate in genetica molecolare. Il progetto Genoma Umano. Next Generation Sequencing: tecnologie e applicazioni. Mappatura, sequenziamento e assemblaggio dei genomi. Interpretazione delle sequenze genomiche. Anatomia dei genomi eucariotici: geni che codificano per proteine e geni a RNA; DNA ripetuto localizzato e intersperso; pseudogeni processati e non processati. Genomica comparata ed evoluzione dei genomi. Filogenetica molecolare. Evoluzione dei cromosomi sessuali ed inattivazione del cromosoma X nei mammiferi. Varianti genomiche: mutazioni e polimorfismi. Cenni di farmacogenomica. Manipolazione genica per lo studio di malattie e processi genetici: transgenesi; modificazione mirata (knockout e knockin); forward genetics (mutagenesi inserzionale e chimica); editing del genoma con nucleasi programmabili (Zinc finger, Talen, CRISPR/Cas9). Cenni di approcci genetici e cellulari alla cura delle malattie.



Testi in inglese

	Italian
	Introduction to the course and techniques employed in molecular genetics. The Human Genome Project. Next Generation Sequencing: technologies and applications. Mapping, sequencing and assembly of genomes. Interpretation of genome sequences. Organization of eukaryotic genomes: protein coding and RNA genes; Repetitive DNA: localized and interspersed; processed and non-processed pseudogenes. Comparative genomics and evolution of genomes. Molecular phylogeny. Sex chromosome evolution and X chromosome inactivation in mammals. Genomic variants: mutations and polymorphisms. Mention of pharmacogenomics. Genic manipulation for the study of genetic diseases: transgenesis; targeted editing (knockout and knockin); forward genetics (insertional and chemical mutagenesis); genome editing using programmable nucleases (Zinc finger, Talen, CRISPR/Cas9). Genetic and cellular approaches for disease therapy.
	Material provided during the course as Lecture presentations and original articles. Suggested support book: Genetics and Genomics in Medicine - Strachan, Goodship, Chinnery.
	The course aims at providing the students with: i) the knowledge of genome structure and genome analysis methods; ii) the knowledge of the molecular aspects underlying classical genetics; iii) the knowledge of the methods of genome editing to study genetic processes and diseases; iv) the ability to understand and develop genomics and molecular genetics methods in biomedical research.
	Knowledge of Genetics, Molecular Biology, Cellular Biology.

	Traditional lectures integrated with journal clubs to discuss recent relevant papers in the field.
	None
	Students will be required to take a final examination that consists of: i) a written part with 10 multiple choice questions and 2 open questions (in 1:30 hour time); ii) a 20-30 minute-oral-interview to discuss the written test as well as other topics addressed during the course.
	Introduction to the course and techniques employed in molecular genetics. The Human Genome Project. Next Generation Sequencing: technologies and applications. Mapping, sequencing and assembly of genomes. Interpretation of genome sequences. Organization of eukaryotic genomes: protein coding and RNA genes; Repetitive DNA: localized and interspersed; processed and non-processed pseudogenes. Comparative genomics and evolution of genomes. Molecular phylogeny. Sex chromosome evolution and X chromosome inactivation in mammals. Genomic variants: mutations and polymorphisms. Mention of pharmacogenomics. Genic manipulation for the study of genetic diseases: transgenesis; targeted editing (knockout and knockin); forward genetics (insertional and chemical mutagenesis); genome editing using programmable nucleases (Zinc finger, Talen, CRISPR/Cas9). Genetic and cellular approaches for disease therapy.